



"مقاله پژوهشی"

برآورد فراسنجه‌های ژنتیکی منحنی رشد و صفات تولیدمثلى در بلدرچین ژاپنی

راضیه ساقی^۱ و داود علی ساقی^۲

۱- دانشجوی دکتری ژنتیک و اصلاح دام، گروه علوم دامی، دانشگاه زابل، (نویسنده مسouول: saghi9099@yahoo.com)

۲- هیات علمی مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی خراسان رضوی، سازمان تحقیقات و آموزش کشاورزی، ایران

تاریخ دریافت: ۱۴۰۰/۵/۱۹ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۰/۵/۱۹

صفحه: ۱۶۱ تا ۱۶۱

چکیده

صفات رشد و تولید مثل از ویژگی‌های شناخته شده موجودات زنده، به دلیل ارتباط مستقیمی که با سود اقتصادی دارند، از اهمیت ویژه‌ای برخوردارند. توصیف ژنتیکی منحنی رشد و همبستگی فراسنجه‌های آن با صفات رشد و تولیدمثلى در تعیین راهبردهای انتخاب می‌تواند مفید باشد. بدین منظور از داده‌های ۲۰۳۵ بلدرچین، که طی سال‌های ۱۳۹۶-۱۳۹۸ در مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی خراسان رضوی جمع‌آوری شده بود، استفاده شد. برای شناسایی عوامل ثابت مؤثر بر صفات از مدل خطی رونمایی GLM نرم‌افزار SAS و برای تخمین پارامترهای منحنی رشد، از مدل رگرسیون غیرخطی گمپرترز استفاده شد. اجزای (کو) واریانس و پارامترهای ژنتیکی منحنی رشد و صفات رشد و تولیدمثلى حداقل درست‌نمایی محدود شده با استفاده از تجزیه و تحلیل چند صفت‌هه توسط نرم‌افزار DMU برآورد شدند. وراشت پذیری وزن بدن در ۳۵ روزگی، وزن مجازی، نرخ بلوغ، سن در نقطه عطف منحنی، نرخ رشد مطلق، نرخ رشد نسبی، تعداد تخم و درصد باروری به ترتیب ۰/۲۲۲، ۰/۲۳۸، ۰/۴۱۶، ۰/۴۱۶، ۰/۲۸۳، ۰/۲۲۲، ۰/۲۸۳ و ۰/۰۷۱ برآورد گردید. همبستگی‌های ژنتیکی بین فراسنجه‌های منحنی رشد با نرخ رشد مطلق و نرخ رشد نسبی و وزن بدن در ۳۵ روزگی متوسط رو به بالا (۰/۴۳۹-۰/۹۲۴) بود. قوی ترین همبستگی هم بین سن در نقطه عطف منحنی و نرخ رشد نسبی (۰/۹۲۴) بود. به جز همبستگی‌های ژنتیکی بین تعداد تخم و درصد باروری با دیگر صفات، اکثر همبستگی‌های ژنتیکی مثبت برآورد شدند. بر اساس نتایج، مدبیریت بهینه عوامل محیطی در افزایش رشد و عملکرد تولید مثلى اثرگذار هستند و انتخاب ژنتیکی برای صفت رشد با استفاده از فراسنجه‌های منحنی رشد می‌تواند باعث بهبود پتانسیل ژنتیکی حیوان شود.

واژه‌های کلیدی: بلدرچین، رشد نسبی، صفات تولیدمثلى، وزن بدن، همبستگی ژنتیکی

صفات تولیدمثلى به عنوان مهمترین عوامل تاثیرگذار بر سود اقتصادی سامانه‌های پرورشی می‌باشد (۲۹). از این رو بهبود عملکرد تولیدمثلى از اهداف مهم در اصلاح نژاد هستند. صفات تولیدمثلى وراشت پذیری پایینی دارند به همین دلیل انتخاب مستقیم به منظور بهبود ژنتیکی این صفات مناسب نمی‌باشد. علی رغم محدودیت‌هایی نظری وراشت پذیری پایین، ترکیبی بودن صفات تولیدمثلى، تغییر عوامل موثر بر این صفات در گذر زمان و به علت ارزش اقتصادی بالا و تاثیر مستقیم در سودآوری، این صفات باید در شاخص انتخاب گنجانده شوند (۳۳).

چنانچه صفات رشد یا تولید مثل با فراسنجه‌های منحنی رشد همبستگی قوی داشته باشند، انتخاب برای صفت رشد مورد نظر موجب تغییر دلخواه در فراسنجه منحنی رشد خواهد شد. نتایج تحقیقات نشان می‌دهد که عوامل محیطی تاثیر مهم و معنی داری بر فراسنجه‌های منحنی رشد دارند (۳۱). بنابراین با تغییر مدبیریت و بهبود عوامل محیطی امکان تغییر منحنی رشد وجود دارد. همچنین نتایج به دست آمده از برآورد فراسنجه‌های ژنتیکی نشان می‌دهند که متغیرهای منحنی رشد دارای وراشت پذیری متوسطی می‌باشند و بدلیل وجود همبستگی‌های ژنتیکی و فوتیئی بین فراسنجه‌ها امکان انتخاب و بهبود این صفت در گله وجود دارد (۳۳). بررسی‌های زیادی روی صفات رشد بلدرچین‌ها مانند فراسنجه‌های منحنی رشد و کیفیت گوشت (۵، ۳۴، ۴۱)،

مقدمه

بیش از سه دهه از آغاز پرورش بلدرچین در کشور می‌گذرد. در طول این مدت پرورش بلدرچین توسعه زیادی پیدا کرده است. در کنار رشد و توسعه کمی، متابسافنه توسعه کیفی و افزایش عملکرد این پرنده کمتر مورد توجه قرار گرفته است. با صنعتی شدن پرورش بلدرچین و بهبود بهره‌وری یک هدف اصلی برای این صنعت محسوب می‌شود. در این راستا صفات تولیدی و تولیدمثلى از مهمترین صفات موثر بر بهره‌وری و از عوامل اصلی پایین بودن بهره‌وری در گله‌ها محسوب می‌شوند. در گونه‌هایی مانند بلدرچین بدلیل فاصله نسلی کوتاه نیاز به زمان زیادی برای جمع آوری افزایش نیست، در نتیجه پاسخ به انتخاب در واحد زمان افزایش می‌یابد (۳۸). صفات رشد از مهمترین صفات در صنعت طیور می‌باشند که از نظر اقتصادی اهمیت بسیاری دارند (۴۸). به همین دلیل برنامه‌های اصلاحی باید طوری طراحی شوند که بتوانند حداقل ظرفیت ژنتیکی پرنده را در رابطه با هدف مذکور تأمین نمایند. در برنامه‌های انتخاب در پرندگان تاکید شدید بر سرعت رشد، رشد اولیه و افزایش وزن بدن است که منجر به کاهش معنی دار در تعداد روزهای مورد نیاز برای رسیدن به وزن بازار و به تبع آن کاهش مصرف خوارک می‌شود. در صنعت پرورش طیور انتخاب ژنتیکی به عنوان ابزاری کارآمد جهت افزایش وزن بدن و سرعت رشد مطرح است (۴۸).

تصمیم‌گیری مدل نهایی ارزیابی ژنتیکی، از مدل خطی و رویه GLM نرمافزار SA (نسخه ۹/۲) استفاده شد. برای مقایسه میانگین صفات در سطوح مختلف اثرات ثابت، از آزمون توکی استفاده گردید. عوامل ثابت در این مطالعه شامل سال (در دو سطح) و ماه تولد جوجه‌ها (در چهار سطح) و نوبت هج (در سه سطح) بود.

برای بدست آوردن فراسنجه‌های منحنی رشد، تمام بلدرچین‌ها هفته به هفته تا ۶ هفتگی وزن کشی شدند. به منظور تخمین پارامترهای منحنی رشد در گله مورد مطالعه از مدل رگرسیون غیر خطی گمپرتر (معادله ۱) استفاده شد.

$$(معادله ۱) W_t = ae^{(-be^{(-kt)})}$$

که در این معادله W_t : وزن در سن t ; a : پارامتر مرتبط با وزن مجانبی؛ b : پارامتر مرتبط با نرخ رشد از تولد تا بلوغ و k : پارامتر توضیح دهنده نرخ بلوغ می‌باشد (۵، ۱، ۳۴).

پارامترهایتابع منحنی رشد شامل a , b و k با استفاده از رویه NLIN نرمافزار SAS نسخه ۹/۲ برای تک تک پرنده‌گان پیش‌بینی گردید. مدل گمپرتر با نقطه عطف منحنی $(\frac{a}{e})$ توصیف می‌شود، به طوری که حداقل رشد قبل از این نقطه و باقیمانده آن پس از آن اتفاق می‌افتد (۱۷).

$$(معادله ۲) IPT = \ln(b)/(k)$$

AGR از مشتق اول مدل گمپرتر با توجه به زمان بدست می‌آید و RGR به عنوان افزایش یک واحد در وزن بدن در واحد زمان تعریف می‌شود.

$$(معادله ۳) AGR = abk e^{(-be^{(-kt)})} e^{(-kt)}$$

$$(معادله ۴) RGR = k [\ln(a) - \ln(y_t)]$$

تعداد روزانه تخم از اولین روز تخم‌گذاری تا سن ۲۰ هفتگی ثبت شد و تعداد کل تخم‌ها (EN) به تفکیک ماده‌ها محاسبه شد. تخم‌ها به صورت هفتگی در دستگاه جوجه‌کشی قرار داده شدند. پس از پایان دوره جوجه‌کشی، تمام تخم‌های هج نشده، شکسته شده و از نظر نطفه‌داری طبقه‌بندی شدند. باوری هر ماده از نسبت تخم‌های نطفه‌دار به تعداد کل تخم‌ها تعیین شد.

اجزای (کو) واریانس و پارامترهای ژنتیکی منحنی رشد و صفات مورد مطالعه با مدل جوانی و روش حداقل رستنمایی محدود شده با استفاده از تجزیه و تحلیل چند صفت‌توسط نرم‌افزار DMU (۲۴) برآورد شدند.

$$(معادله ۵) y_1 = Xb_i + Za_j + e_{ij}$$

در این مدل y_1 : بردار مشاهدات برای صفت مورد مطالعه، b_i : بردار اثرات ثابت که شامل نوبت هج است، z_a : بردار اثرات تصادفی پرنده و e_{ij} : بردار اثرات تصادفی باقیمانده می‌باشند. همچنین، Z_a و X_b ، ماتریس‌های ضرایب که رکوردهای صفت را به ترتیب به اثرات ثابت و اثرات تصادفی حیوان مرتبط می‌نمایند، می‌باشند.

فراسنجه‌های ژنتیکی صفات وزن بدن در سنین مختلف در بلدرچین ژاپنی (۸، ۱۱، ۱۹، ۴۲) مقایسه منحنی‌های رشد و تغییرات ژنتیکی در مدل‌های رشد (۲۱، ۲۰) و تخمین فراسنجه‌های ژنتیکی برای صفات اقتصادی، وراثت‌پذیری و همبستگی‌های ژنتیکی در صفات مختلف وزن بدن در بلدرچین ژاپنی (۱۴، ۱۶، ۴۲) صورت گرفته است، اما مطالعاتی که برآورد وراثت‌پذیری فراسنجه‌های منحنی رشد، همبستگی‌های ژنتیکی بین این فراسنجه‌ها و همبستگی ژنتیکی بین فراسنجه‌های منحنی رشد و صفات دیگر مانند صفات رشد، تولید، تولیدمثیل را گزارش کرده باشند بسیار محدود است. لذا هدف از مطالعه حاضر برآورد فراسنجه‌های ژنتیکی منحنی رشد و صفات تولید مثیل در بلدرچین ژاپنی بود.

مواد و روش‌ها

در مطالعه حاضر از داده‌های ۲۰۳۵ بلدرچین، نتاج حاصل از ۲۴۲ بلدرچین نر و ۲۴۲ بلدرچین ماده که طی سال‌های ۹۶-۹۸ در مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی خراسان رضوی جمع‌آوری شده بود، استفاده شد. والدین به صورت (یک نر و یک ماده) در داخل قفسه‌هایی به ابعاد $30 \times 30 \times 30$ نگهداری شدند. تخم‌های هر قفس به تفکیک شماره‌گذاری شده و در شانه‌های مجزا و در دمای ۱۵ درجه سانتی‌گراد تا زمان انکوباسیون نگهداری شدند. تخم‌های جمع‌آوری شده در طی فواصل زمانی ۵-۷ روز به دستگاه جوجه‌کشی منتقل گردید. در روز هج با استفاده از شماره‌های کاغذی و سنجاق قفلی شماره پرنده به بال جوجه‌ها نصب شد و شماره‌شناسایی پرنده به همراه وزن هج در دفتر ثبت گردید. برنامه نوری در دوره رشد به صورت ۲۴ ساعت روش‌نایابی پیوسته و در دوره تخم‌گذاری به صورت ۱۶ ساعت نور و ۸ ساعت تاریکی اعمال گردید. جیره‌های مورد استفاده نیز بر اساس توصیه انجمن تحقیقات ملی (NRC) تنظیم گردید. در طول دوره پرورش، دسترسی به آب و خوارک آزاد بود. پرنده‌گان از زمان هج تا ۴۲ روزگی به فاصله ۷ روز و در طی چهار نسل به طور انفرادی وزن کشی شدند. حدود ۲ ساعت قبل از عملیات وزن کشی توزیع دان برای پرنده‌گان متوقف و دانخوری‌ها جمع شدند. وزن کشی با ترازوی دیجیتال و با دقیق ۰/۰ انجام گرفت.

اطلاعات شجره شماره پرنده، شماره پدر و شماره قفس، سال، ماه و روز تولد پرنده و نوبت هج در طی ۴ نسل بودند. ابتدا داده‌ها با نرمافزار CFC (۴۹) ویرایش و برای تجزیه تحلیل آماده‌سازی شدند. صفات مورد بررسی در مطالعه حاضر شامل وزن بدن در ۳۵ روزگی به گرم (BW35)، وزن مجانبی (a)، نرخ بلوغ (k)، سن در نقطه عطف منحنی رشد به روز (IPT)، نرخ رشد مطلق (AGR)، نرخ رشد نسبی (RGR) مجموع تخم‌ها تا سن ۱۴۰ روزگی (EN) و درصد باوری (FR) بودند. به منظور شناسایی عوامل ثابت موثر بر صفات و

نتایج و بحث

خلاصه آماری صفات وزن بدن در ۳۵ روزگی (BW₃₅)، وزن مجانی (a)، نرخ بلوغ (b)، سن در نقطه عطف منحنی (IPT)^۱، نرخ رشد مطلق (AGR)^۲، نرخ رشد نسبی (RGR)^۳، مجموع تخمها تا ۲۰ هفتگی (EN)^۴ و درصد باروری (FR)^۵ در جدول ۱ ارائه شده است. وزن بدن در ۳۵ روزگی (BW₃₅) گرم و در دامنه ۱۲۰-۲۴۳ گرم بdst آمد. میانگین ۳۵ گرام و در مطالعه حاضر کمتر از گزارش باربری و همکاران (۸) با مقدار ۲۱۱/۳۱ گرم و بیشتر از گزارشات سازار و همکاران (۵۱)، ساتسی (۴۶)، اکباس و یاپیلک (۵)، ماموه و همکاران (۳۲)، دایکو و همکاران (۱۱) و نارینس و همکاران (۳۵) بود که به ترتیب ۹۸/۷۶، ۷۰/۰۸، ۱۴۶/۸، ۱۷۰/۴۱، ۱۷۰/۰۲، ۱۴۶/۷ و ۹۱/۰۴ را گزارش کرده بودند و مطابق با گزارش اوزسوی (۴۳) با میانگین ۱۸۵/۹ گرم بود. احتمالاً شرایط آزمایش و ساختار و تعداد مشاهدات در مطالعه حاضر و سایر مطالعات و همچنین استفاده از سویه‌های مختلف بلدچین از علل تفاوت وزن بدن بلدچین‌ها در این سن در مطالعات مختلف می‌باشد، هر چند عوامل محیطی، تغذیه‌ای و پرورشی هم بر این صفت بسیار تاثیرگذار هستند.

میانگین وزن مجانی مدل رشد گمیرتر ۲۹۰/۰۷ بdst آمد. گورکان و همکاران (۱۵)، اکباس و اوگوز (۴) و نارینس و همکاران (۳۵) برآورد فراستجه وزن مجانی را بترتیب ۱۸۶/۹ و ۲۴۴/۷ ۲۳۳/۱۲ گزارش کردند. آلکان و همکاران (۶) در مطالعه ای با هدف افزایش وزن بدن، دامنه وزن مجانی منحنی رشد را ۲۹۵-۳۰۶ برآورد کردند که مطابق با مطالعه حاضر بود. نارینس و همکاران (۳۵) میانگین وزن مجانی را ۲۶۵/۷۸ و در دامنه ۸۸۲/۰۹-۹۸/۳۴ گزارش کردند که کمتر از برآورد تحقیق حاضر بود. در مطالعات بهبود ژنتیکی، انتخاب برای وزن بدن، موجب تعییر در فراستجه‌های منحنی رشد می‌شود (۵،۳۴).

نرخ بلوغ در مطالعه حاضر ۰/۰۵۸ برآورد گردید که موافق با برآورد اکباس و یاپیلک (۵) با مقدار ۰/۰۵۵ و کمتر از برآورد نارینس و همکاران (۳۳) با میزان ۰/۰۷۵ و گورکان و همکاران (۱۵) با میزان ۰/۰۶۶ و بیشتر از برآورد نارینس و همکاران (۳۵) با مقدار ۰/۰۴۶ بود. نرخ بلوغ، سرعت رشد در دوران بلوغ را تعیین می‌کند. نرخ بلوغ بالاتر نشان دهنده بلوغ زودتر و نرخ بلوغ کمتر نشان دهنده بلوغ دیرتر است (۵). هر

جدول ۱- خصوصیات داده‌های آماری مربوط به صفات رشد و تولیدمثل در بلدچین ژاپنی

Table 1. Characteristics of statistical data on growth and reproductive traits in Japanese quail

صفت	mean	sd	cv	min	max
A	۲۹۰/۰۷	۷۱/۴۲	۲۴/۶	۱۴۴/۱۶	۵۷۲/۴
K	۰/۰۵۸	۰/۰۱۷	۱۸/۴۴	۰/۰۳	۰/۰۸
(day) IPT	۲۲۵۶	۴/۸۹	۲۱/۶	۱۳/۲۸	۳۹/۹۳
(gr) AGR	۴/۷۰	۱/۲۲	۲۵/۹۵	۲/۰۰	۷/۹۸
(%) RGR	۰/۰۳۷	۰/۰۵۷	۲۱/۱۱	۰/۰۱۵	۰/۰۴۱
(gr) BW35	۱۸۱/۸	۲۷/۷۵	۱۳/۶۱	۱۲۰	۲۴۳
(egg) EN	۷۹	۱۰/۶۷	۱۳/۶۲	۲۰	۱۱۰
(%) FR	۸۳/۹۸	۱۶/۳۵	۱۹/۴۶	۱۸/۷۲	۱۰۰

a: فراستجه مرتبط با وزن مجانی، b: فراستجه توضیح دهنده نرخ بلوغ، IPT: سن در نقطه عطف منحنی، AGR: نرخ رشد مطلق تا ۳۵ روزگی، RGR: نرخ رشد نسبی تا ۳۵ روزگی، EN: وزن بدن در ۳۵ روزگی، FR: درصد باروری BW35: مجموع تعداد تخمها تا سن ۱۴۰ روزگی و

1- Age at inflection point

3- Relative growth rate at 5 week of age

5- Percentage of fertility

2- Absolute growth rate at 5 week of age

4- Total egg number up to 140 days of age

(IPT) می‌توان نتیجه گرفت که استفاده از انتخاب مستقیم در این صفات باعث بهبود و پیشرفت آن‌ها خواهد شد. وراثت‌پذیری AGR و RGR در مطالعه حاضر ۰/۱۶۸ و ۰/۲۲۲ برآورده شدن که کمتر از برآورده نارینس و همکاران (۳۳) با مقادیر ۰/۲۵ و ۰/۲۹ بود. نارینس و همکاران (۳۴) وراثت‌پذیری AGR و RGR را بترتیب ۰/۰۷ و ۰/۱۱ در یک جمعیت بلدرچین با آمیزش تصادفی گزارش کردند. به دلیل وراثت‌پذیری پایین این دو صفت و اینکه تحت تاثیر عوامل محیطی زیادی (عوامل مدیریتی، محیطی، تعذیه‌ای و ...) هستند باعث اختلاف در برآوردها در پژوهش‌های مختلف شده است.

در مطالعه حاضر، وراثت‌پذیری EN از اولین تخم‌گذاری تا هفته بیستم ۰/۰۲۸۳ برآورده شد که کمتر از مقدار گزارش شده توسط نارینس و همکاران (۳۳) با میزان ۰/۳۷ بود. برآوردهای متوسط برای وراثت‌پذیری تعداد تخم تولیدی در دوره‌های مختلف تخم‌گذاری در بلدرچین‌های تخم‌گذار بین ۰/۳۶–۰/۲۶ گزارش شده است (۱۲،۳۲،۲۶). نارینس و همکاران (۳۳) وراثت‌پذیری تولید تخم ماهانه در بلدرچین‌های تخم‌گذار را ۰/۰۴۳ و اکنی و همکاران (۳۹) وراثت‌پذیری این صفت در سه نسل از بلدرچین ژاپنی را بین ۰/۳۳–۰/۴۸ گزارش کردند که بیشتر از برآورده مطالعه حاضر بود. محمود و همکاران (۲۶) وراثت‌پذیری تعداد تخم در ۹۰ روز ابتدائی تخم‌گذاری در بلدرچین ژاپنی را ۰/۰۲۶ گزارش کردند که تقریباً مطابق مطالعه حاضر بود. والنتی و همکاران (۵۳) وراثت‌پذیری تعداد تخم ۱۱ تا ۱۶ هفته‌گی بلدرچین‌ها را ۰/۰۱۵ گزارش کردند که کمتر از برآورده مطالعه حاضر بود. وراثت‌پذیری FR در مطالعه حاضر ۰/۰۷۱ برآورده شد. بر اساس اکثر گزارشات، وراثت‌پذیری باروری در بلدرچین ژاپنی عموماً پایین و در بازه ۱۱–۰/۰۷۰ بود (۱۳،۳۳). برآوردهای وراثت‌پذیری FR در مطالعه حاضر نیز موافق با این گزارشات و پایین بدست آمد.

وراثت‌پذیری

برآورده وراثت‌پذیری صفات مورد مطالعه در جدول ۲ آورده شده است. وراثت‌پذیری BW₃₅ در مطالعه حاضر (۰/۰۲۸) کمتر از گزارشات نارینس و همکاران (۳۳)، نارینس و همکاران (۳۵) و اوز سوی و اکتان (۴۰) بترتیب با مقادیر ۰/۰۴۶ و ۰/۰۵۸ و ۰/۰۴۶ و ۰/۰۵۸ و تا حدودی مطابق برآورده ولی و همکاران (۵۴) با مقدار (۰/۰۲۶) و محمود و همکاران (۲۶) با مقدار ۰/۰۲۴ بود. برآورده وراثت‌پذیری صفات وزن بدن در بلدرچین ژاپنی در طیف گستره‌های گزارش شده است. تفاوت در برآوردهای وراثت‌پذیری می‌تواند مربوط به مدل و روش آماری مورد استفاده، نزد، اثرات محیطی و شاید خطای نمونه برداری به دلیل کمبودن تعداد مشاهدات باشد (۳۰).

وراثت‌پذیری فراسنجه‌های a، k و IPT منحنی رشد گومپرتز به ترتیب ۰/۰۲۳۸، ۰/۰۴۱۶ و ۰/۰۲۸۳ برآورده شدند. گزارشات محدودی از برآوردهای پارامترهای منحنی رشد در بلدرچین ژاپنی در دسترس است (۴،۵،۳۴،۳۵). متوسط وزن مجانبی، ارتباط بسیار نزدیکی با وزن بلوغ دارد. برآورده وراثت‌پذیری وزن مجانبی در تحقیق حاضر (۰/۰۲۳۸) کمتر از گزارشات نارینس و همکاران (۳۵)، نارینس و همکاران (۳۳) و اکباس و یاپلک (۵) بود که بترتیب مقادیر ۰/۰۵۰ و ۰/۰۳۸ و ۰/۰۳۵ را گزارش کرده بودند. گزارش منجولا و همکاران (۲۷) با برآورده ۰/۰۲۱ تا حدودی مطابق با برآورده مطالعه حاضر بود.

برآورده وراثت‌پذیری نرخ بلوغ (k) با میزان ۰/۰۴۱۶ موافق با برآورده اکباس و یاپلک (۵) و کمتر از گزارش نارینس و همکاران (۳۳) و بیشتر از برآورده نارینس و همکاران (۳۵) بود. منجولا و همکاران (۲۷) وراثت‌پذیری بسیار پایین (۰/۰۹۵) را برای نرخ بلوغ گزارش کرده بودند. وراثت‌پذیری IPT در مطالعه حاضر (۰/۰۲۸۳) بیشتر از برآورده نارینس و همکاران (۳۳) با میزان ۰/۰۲۶ و کمتر از برآورده اکباس و یاپلک (۵) و نارینس و همکاران (۳۵) بترتیب با مقادیر ۰/۰۳۱۹ و ۰/۰۵۴ بود. بر اساس وراثت‌پذیری فراسنجه‌های منحنی رشد a، k و

جدول ۲- وراثت‌پذیری و انحراف استاندارد صفات رشد و تولید مثل در بلدرچین ژاپنی
Table 2. Heritability and standard deviation of growth and reproductive traits in Japanese quail

انحراف استاندارد	وراثت‌پذیری	صفت
۰/۰۳۶	۰/۰۲۸	a
۰/۰۴۱	۰/۰۴۱۶	k
۰/۰۳۳	۰/۰۲۸۳	IPT
۰/۰۲۳	۰/۰۱۶۸	AGR
۰/۰۲۲	۰/۰۲۲	RGR
۰/۰۱۸	۰/۰۲۲۸	BW ₃₅
۰/۰۱۹	۰/۰۲۹۳	EN
۰/۰۲۸	۰/۰۰۷۸	FR

a: فراسنجه مرتبط با وزن مجانبی، k: فراسنجه توضیح دهنده نرخ بلوغ، IPT: سن در نقطه عطف منحنی، AGR: نرخ رشد مطلق تا ۳۵ روزگی، RGR: نرخ رشد نسبی تا ۳۵ روزگی، BW₃₅: وزن بدن در ۳۵ روزگی، EN: مجموع تعداد تخمهای تا سن ۱۴۰ روزگی و FR: درصد باروری

مطالعه حاضر همبستگی ژنتیکی و فنوتیپی متوسط و مثبت بین وزن بدن در ۳۵ روزگی و فراستجه k را نشان داد (۰/۴۳۹) و (۰/۳۱۸). همبستگی ژنتیکی و فنوتیپی بین فراستجه a و k نیز بالا و منفی بود (ترتیب ۰/۸۲۳ و -۰/۸۰۴). نارینس و همکاران (۳۵) همبستگی ژنتیکی و فنوتیپی بین وزن بدن در ۳۵ روزگی و k را ترتیب ۰/۸۲ و ۰/۶۰ گزارش کردند که بالاتر از مطالعه حاضر بود. نارینس و همکاران (۳۳) همبستگی ژنتیکی منفی و پایین بین وزن بدن در ۵ هفتگی و k را ۰/۱۱ و همبستگی بین a و k را ترتیب -۰/۷۶ و -۰/۷۳ گزارش کردند. گزارشات اکباس و اوگوز (۴) و اکباس و یاچلک (۵) کمتر از برآوردهای مطالعه حاضر بود. کاهش در فراستجه k باعث افزایش در فراستجه a می‌شود و دلالت بر متوسط نرخ بلوغ دارد. همبستگی ژنتیکی بین وزن بدن در ۳۵ روزگی و IPT در مطالعه حاضر (۰/۲۶۳) بدست آمد. نارینس و همکاران (۳۴) همبستگی ژنتیکی متوسط و منفی بین وزن بدن و IPT (-۰/۳۸)، میگون (۳۱) همبستگی ژنتیکی قوی و منفی بین وزن بدن در ۸ هفتگی (۰/۶۰) را در مرغ‌ها و نارینس و همکاران (۳۵) همبستگی ژنتیکی قوی و منفی بین وزن بدن در ۳۵ روزگی و IPT (-۰/۷۷) در بلدرچین ژانپی گزارش کردند که تمام مقادیر بالاتر از مقادیر مطالعه حاضر بود.

در مدل رشد گمپیرتز، IPT به صورت معکوس با نرخ رشد آنی مرتبط است. همانطور که انتظار می‌رفت در مطالعه حاضر نیز همبستگی ژنتیکی قوی و منفی (-۰/۸۲) بین IPT و K بدست آمد.

همبستگی‌های ژنتیکی و فنوتیپی

همبستگی‌های ژنتیکی و فنوتیپی صفات مورد مطالعه در جدول ۳ ارائه شده است. همبستگی‌های ژنتیکی بین فراستجه‌های منحنی رشد (a) و IPT (۰/۹۲۴ - ۰/۴۳۹) با RGR و BW₃₅ همبستگی هم بین IPT و RGR (۰/۹۲۴) بدست آمد. به جز همبستگی‌های ژنتیکی مثبت برآورد شد. چندین مطالعه همبستگی‌های ژنتیکی و فنوتیپی بالا بین وزن بدن در ۵ و ۶ هفتگی با فراستجه a در بلدرچین ژانپی گزارش شده است (۰/۴۳۴، ۳۳). همبستگی ژنتیکی بین فراستجه‌های منحنی رشد و وزن بدن در سنین مختلف توسط اکباس و یاچلک (۵) گزارش شده است. این محققین همبستگی‌های فنوتیپی منفی بین فراستجه a و وزن بدن تا چهار هفتگی را گزارش کردند. نارینس و همکاران (۳۳) نیز همبستگی‌های ژنتیکی و فنوتیپی بین فراستجه‌های منحنی رشد و صفات وزن بدن در ۳۵ روزگی را منفی و متوسط گزارش کردند. اکباس و اوگوز (۴) وراثت پذیری بالا برای a و همبستگی‌های ژنتیکی و فنوتیپی قوی بین a و صفات هفتگی وزن بدن گزارش کردند. نارینس و همکاران (۳۵) همبستگی ژنتیکی و فنوتیپی بین وزن بدن در ۳۵ روزگی و a را به ترتیب -۰/۴۱ و -۰/۱۵ گزارش کردند. این نتایج نشان می‌دهند که فراستجه a می‌تواند به عنوان شاخص انتخاب بهمنظور افزایش وزن بدن هنگام کشتار استفاده شود.

جدول ۳ - همبستگی‌های ژنتیکی (بالای قطر) و فنتوپیکی (بایین قطر) صفات رشد و تولید مثل در بلدرچین ژانپی

Table 3. Genetic (above diagonal) and phenotypic correlation (below diagonal) of growth and reproductive traits in Japanese quail

FR	EN	BW35	RGR	AGR	IPT	k	a
-0/039 ± 0/02	-0/01 ± 0/01	-0/021 ± 0/08	-0/714 ± 0/17	-0/833 ± 0/11	-0/875 ± 0/08	-0/823 ± 0/10	- a
-0/116 ± 0/04	-0/05 ± 0/01	-0/439 ± 0/26	-0/051 ± 0/18	-0/417 ± 0/27	-0/82 ± 0/07	-	-0/804 k
-0/079 ± 0/04	-0/01 ± 0/02	-0/263 ± 0/36	-0/924 ± 0/04	-0/770 ± 0/19	-	-0/922	-0/861 IPT
-0/121 ± 0/01	-0/02 ± 0/01	-0/499 ± 0/32	-0/816 ± 0/17	-	-0/675	-0/525	-0/897 AGR
-0/115 ± 0/02	-0/418 ± 0/02	-0/213 ± 0/23	-	-0/752	-0/954	-0/808	-0/820 RGR
-0/132 ± 0/01	-0/269 ± 0/01	-	-0/12	-0/518	-0/203	-0/318	-0/245 BW35
-0/829 ± 0/04	-	-0/34	-0/39	-0/02	-0/03	-0/01	-0/04 EN
-	-0/76	-0/14	-0/07	-0/04	-0/02	-0/10	-0/07 FR

a: فراستوجه مرتبط با وزن مجازی، k: فراستوجه توضیح دهنده نرخ بلوغ، IPT: سن در نقطه عطف منحنی، AGR: نرخ رشد مطلق تا ۳۵ روزگی، RGR: نرخ رشد نسبی تا ۳۵ روزگی، BW35: وزن بدن در ۳۵ روزگی، EN: مجموع تعداد تخمها تا سن ۱۴۰ روزگی و FR: درصد باروری

نارینس و همکاران (۳۳) همبستگی ژنتیکی و فنوتیپی بین این دو صفت را پایین و منفی (به ترتیب -۰/۱۱ و -۰/۰۷) گزارش کردند. در مطالعه حاضر یک همبستگی ژنتیکی قوی بین EN و FR (۰/۸۰) بدست آمد. مشابه مطالعه حاضر، نارینس و همکاران (۳۳) هم همبستگی ۰/۸۳ را بین این دو صفت بدست آورده بودند. بر واضح است که همبستگی بین درصد باروری و تعداد تخم در پرنده‌گان (قرقاول و بلدرچین) مثبت و بالاست. هرچه تعداد تخم بیشتر باشد باروری بالاتر خواهد بود (۷).

مهمترین هدف اکثر برنامه‌های اصلاحی بهبود صفات اقتصادی است. بدین منظور لاین‌های مادری به شدت برای نرخ رشد و تولید تخم بالاتر و لاین‌های پدری برای صفات تولیدی انتخاب می‌شوند (۵۲). وراثت‌پذیری بالای EN نشان می‌دهد که می‌توان از صفات تولید مثلی بدليل اینکه همبستگی بالایی با درصد باروری دارند، در انتخاب چندصفته در لاین‌های مادری استفاده نمود. از طرفی می‌توان نتیجه گیری کرد که استفاده از منحنی رشد بلدرچین در برنامه‌های انتخاب باعث بهبود ژنتیکی در مطالعات انتخاب شود. وراثت‌پذیری فراسنجه‌های منحنی رشد و همبستگی‌های بین آنها نشان داد که افزایش بازده تولید بوسیله انتخاب بر اساس فراسنجه‌های منحنی رشد به جای انتخاب برای وزن بدن می‌تواند مفید و موثر باشد (۴۷). پارامتر a و k بدليل اینکه با نرخ رشد مرتبط هستند بسیار مهم می‌باشند. انتخاب بر اساس k بدون تغییر در a می‌تواند مطلوب باشد. انتخاب وزن بدن در نقطه عطف منحنی یا نزدیک به آن شکل منحنی رشد را تغییر می‌دهد، بدون اینکه تغییر مهمی در a ایجاد کند. از طرفی محدود کردن شاخص انتخاب نیز می‌تواند کاربردی باشد، k تغییر کند بدون اینکه تغییری در a ایجاد شود (۴۷). RGR بدليل خاصیت تجمعی که دارد می‌تواند به عنوان شاخص انتخاب برگزیده شود. با توجه به همبستگی بالا و منفی بین RGR و IPT در گله‌های تخمگذار باید سرعت رسیدن به نقطه عطف کمتر باشد و رشد نسبی هم آهسته‌تر باشد تا حیوان فرصت کافی برای توسعه سیستم تولیدمثلی خود داشته باشند و در دوران تولید به حداقل تولید برسد. اما در گله‌هایی با هدف تولید گوشتش باید پرنده‌گانی با رشد نسبی بالا انتخاب شوند تا زودتر و با ضریب تبدیل بهتر به نقطه عطف منحنی رشد و سن کشتار برسند. با این انتخاب‌های هدفمند، استفاده از RGR به عنوان شاخص انتخاب باعث بهبود و پیشرفت در IPT خواهد شد. با روش‌های اصلاحی پیشرفته مانند انتخاب چندصفته و یا آمیخته‌گری ممکن است بر همبستگی ژنتیکی منفی بین وزن بدن در ۳۵ روزگی و صفات EN، FR و IPT (۱۰). ارزیابی ژنتیکی دقیق با استفاده از صفات همبسته در مدل‌های چند صفتی به اندازه استفاده از رکورد خوبشاوندان می‌تواند کارآیی داشته باشد. بر اساس نتایج حاصل از این پژوهش مدیریت بهینه عوامل محیطی در افزایش رشد و عملکرد تولیدمثلی اثرگذار هستند و انتخاب ژنتیکی برای صفت رشد با استفاده از فراسنجه‌های منحنی رشد می‌تواند باعث بهبود پتانسیل ژنتیکی حیوان شود.

نارینس و همکاران (۳۳) نیز همبستگی ژنتیکی بین IPT و K را -۰/۸۱- گزارش کردند که موفق با برآورد مطالعه حاضر بود. اما نارینس و همکاران (۳۵) همبستگی ژنتیکی بین این دو صفت را در بلدرچین ژاپنی ۰/۹۵- گزارش کردند که بالاتر از مطالعه حاضر بود. وزن بدن در ۳۵ روزگی همبستگی ژنتیکی متوسط و مثبت (۰/۴۹۹) با AGR داشت در حالی که همبستگی وزن بدن با RGR پایین (۰/۰۲۶) بود. نارینس و همکاران (۳۳) همبستگی ژنتیکی متوسط و مثبت بین وزن بدن و AGR (۰/۰۳۵) و همبستگی ژنتیکی بین وزن بدن و RGR (۰/۰۲۱) را منفی و پایین (-۰/۰۲۱) گزارش کردند که این مقادیر پایین‌تر از مقادیر مطالعه حاضر بود. بر اساس بررسی منابع انجام شده، مطالعاتی که همبستگی ژنتیکی بین وزن بدن و صفات AGR و RGR در بلدرچین ژاپنی محدود بود. هانکوا و همکاران (۱۸) گزارش کردند که انتخاب برای نرخ رشد بالا و نرخ رشد پایین در سنین ابتدایی در لاین‌های بلدرچین، باعث کاهش وزن بدن در چهار هفته اول در لاین با نرخ رشد بالا شده است. اگری (۳) هم گزارش کردند که انتخاب طولانی مدت برای وزن بالا در چهار هفتگی باعث افزایش نرخ رشد نسبی (در مقایسه با لاین وزن پایین) در دو هفته ابتدایی زندگی بلدرچین‌ها شد. نتایج این مطالعات انتخاب نشان می‌دهند که همبستگی بین وزن بدن و RGR می‌تواند منفی باشد.

همبستگی ژنتیکی بین BW_{۳۵} و EN در مطالعه حاضر -۰/۰۲۵- بود. محمود و همکاران (۲۶) همبستگی ژنتیکی بین وزن بدن در بلوغ جنسی و تعداد تخم تا ۹۰ روزگی را در بلدرچین ژاپنی ۰/۳۴ گزارش کردند که بالاتر از مقادیر مطالعه حاضر بود. همبستگی ژنتیکی منفی بین وزن بدن و تعداد تخم تولیدی (EN) در گونه‌های زیادی از پرنده‌گان در چندین مطالعه گزارش شده است (۹,۳۷). در تحقیق حاضر همبستگی ژنتیکی منفی بین وزن بدن و درصد باروری -۰/۱۵- بدست آمد که موافق با گزارش نارینس و همکاران (۳۳) با میزان ۰/۱۳- در بلدرچین ژاپنی بود. مطالعه‌ای که همبستگی بین صفات وزن بدن و درصد باروری را گزارش کرده باشند، بسیار نادر است. مارکر (۲۸) گزارش کرد انتخاب طولانی مدت برای وزن بدن بالا، باروری را کاهش می‌دهد. همبستگی ژنتیکی منفی هم نشان‌دهنده همین موضوع است.

همبستگی ژنتیکی منفی بین وزن بدن و درصد باروری در مرغ و بوقلمون نیز گزارش شده است (۷,۳۷). در مطالعه حاضر، EN همبستگی منفی با RGR (۰/۰۳۹) داشت. انتخاب برای وزن کشتار بالا نه تنها باعث کاهش در نرخ رشد نسبی در سنین ابتدایی می‌شود بلکه سن در بلوغ جنسی را نیز کاهش می‌دهد (۱۰). مارکر (۲۸) گزارش کرد افزایش وزن بدن باعث بلوغ جنسی زودرس می‌شود. این نتایج نشان می‌دهد که بلوغ جنسی زود (در سنین پایین)، باعث افزایش تعداد تخم‌های تولیدی در ۲۰ هفته اول تخمگذاری می‌شود. نارینس و همکاران (۳۳) همبستگی ژنتیکی بین EN و F_۱ را -۰/۴۱- گزارش کردند که تا حدودی مشابه نتایج مطالعه حاضر بود. همبستگی ژنتیکی و فنوتیپی بین FR و RGR (به ترتیب -۰/۱۳۰ و -۰/۰۶۹) بسیار پایین و منفی بدست آمد.

منابع

- Aggrey, S.E. 2002. Comparison of three nonlinear and spline regression models for describing chicken growth curves. *Poultry Science*, 81(12): 1782-1788.
- Aggrey, S.E., G.A. Ankra-Badu and H.L. Marks. 2003. Effect of long-term divergent selection on growth characteristics in Japanese quail. *Poultry Science*, 82: 538-542.
- Aggrey, S.E. 2004. Modelling the effect of nutritional status on presymptotic and relative growth rates in a random-bred chicken population. *Journal of Animal Breeding and Genetics*, 121: 260-268.
- Akbas, Y. and I. Oguz. 1998. Growth curve parameters of lines of Japanese quail (*Coturnix coturnix japonica*), unselected and selected for four-week bodyweight. *European Poultry Science*, 62: 104-109.
- Akbas, Y. and E. Yaylak. 2000. Heritability estimates of growth curve parameters and genetic correlations between the growth curve parameters and weights at different age of Japanese quail. *Archiv Geflügelkunde*, 64(4): 141-146.
- Alkan, S., M. Mendes, K. Karabag and M.S. Balcioğlu. 2009. Effects short term divergent selection of 5-week body weight on growth characteristics in Japanese quail. *Archive Geflugelkd*, 73: 124-131.
- Barbato, G.F., P. Cramer and R.H. Hammerstedt. 1998. Evaluation of an in vitro sperm-egg binding assay assessing male infertility. *Biology of Reproduction*, 58: 686-699.
- Barbieri, A., R.K. Ono, L.L. Cursino, V. Farah, M.P. Pires, T.S. Bertipaglia, A.V. pires, L. Cavani, L.O.D. Carreno and R. Fonseca. 2015. Genetic parameters for body weight in meat quail. *Poultry Science*, 94: 169-171.
- Besbes, B., V. Ducrocq, J.L. Foulley, M. Protails, A. Tavernier, M. Tixier Boichard and C. Beaumont. 1992. Estimation of genetic parameters of egg production traits of laying hens by restricted maximum likelihood applied to a multiple-trait reduced animal model. *Genetics Selection Evolution*, 24: 539-552.
- Camci, O., C. Erensayin and S. Aktan. 2002. Relations between age at sexual maturity and some production characteristics in quail. *Archiv Fur Geflugelkunde*, 66: 280-282.
- Daikwo, S.I., U.A. Dike and N.I. Dim. 2014. Estimation of genetic parameters of weakly body weight and growth rate of Japanese quail. *LOSR Journal of Agriculture and veterinary science*, 7(10): 56-62.
- El-Fiky, F.A., M.A. Aboulhassan, S.S. Batta and G.E.Y. Attalah. 2000. Comparative study of egg production traits in two strains of Japanese quail. *Fayoum Journal of Agricultural Research and Development*, 14: 198-205.
- El-Fiky, F.A., T.A. Shamma and H.A. El-Oksh. 1994. Genetic parameters of some productive and reproductive traits in Japanese quail. *Meteorology, Environment and Arid Land Agriculture Science*, 5: 45-60.
- Finco, E.M., S.M. Marcato, A.C. Furlan, R.M. Rossi, D.O. Grieser, V. Zancanella, T.M. Moraes de Oliviera and C. Espejo Stanquevis. 2016. Adjustment of four growth models through Bayesian inference on weight and body nutrient depositions in laying quail. *Brazilian Journal of Animal Science*, 45(12): 737-744.
- Gurcan, E.K., O. Cobanoglu and T. Genc. 2012. Determination of body weight-age relationship by nonlinear models in Japanese quail. *Journal of Animal and Veterinary Advances*, 11(3): 314-317.
- Gotuzzo, A.G., M. Piles, R.P. Delle-Flora, J.M. Germano, J.S. Reis, D.U. Tyska and N.J.L. Dionello. 2018. Bayesian hierarchical model for comparison of different nonlinear function and genetic parameter estimates of meat quails. *Poultry Science*, 0: 1-9.
- Grimm, K.J. and N. Ram. 2009. Nonlinear growth models in Mplus and SAS. *Structure Equation Modeling*, 16: 676-701.
- Hyankova, L., H. Knizetova, L. Dedkova and J. Hort. 2001. Divergent selection shape of growth curve in Japanese quail 1. Responses in growth parameters and food conversion. *British Poultry Science*, 42: 583-589.
- Kaplan, S., D. Narinc and E.K. Gürcan. 2016. Genetic parameter estimates of weekly body weight and Richard's growth curve in Japanese quail. *European Poultry Science*, 80: 1-10.
- Kaplan, S and E.K. Gürcan. 2018. Comparison of growth curve using non-linear regression function in Japanese quail. *Journal of Applied Animal Research*, 46(1): 112-117.
- Karabağ, K., S. Alkan, T. Karslı and M.S. Balcioğlu. 2017. Genetic changes in growth curve parameters in Japanese quail lines divergently selected for body weight. *European Poultry Science*, 81: 1-10.
- Lotfi, E., S. Zerehdaran and M. Ahani Azari. 2012. Study of fixed effects on some productive and reproductive characteristics in Japanese quail. *Animal Science Journal*, 23(1): 73-84 (In Persian).
- Lupi, T.M., J.M. León, S. Nogales, C. Barba and J.V. Delgado. 2015. Genetic parameters of traits associated with the growth curve in Segureña sheep. *Animal*, 1(5): 1-7.
- Madsen, P. and J. Jensen. 2008. DMU. A package for multivariate analyzing multivariate mixed models. Version 6. University of Aarhus, Faculty Agricultural Sciences (DJF), Department of Genetics and Biotechnology, Research Centre Foulum, Box 50, 8830 Tjele, Denmark.
- Magda, I., M. Abo Samaha, M. Sharaf and S.A. Hemeda. 2010. Phenotypic and genetic estimates of some productive and reproductive traits in Japanese quail. *Egypt Poultry Science*, 30: 875-892.

26. Mahmoud, M. El-Attroung and Mahmoud, M. Iraqi. 2021. Influence of selection for egg production on egg quality traits in Japanese quail. *South African Journal of Animal Science*, 51(1): 128-137.
27. Manjula, P., H.B. Park, D. Seo, N. Choi, S. Jin, S.J. Ahn, K.N. Heo, B.S. Kang and J.H. Lee. 2018. Estimation of heritability and genetic correlation of body weight gain and growth curve parameters in Korean native chicken. *Asian-Australasian Journal of Animal Sciences*, 00: 1-6.
28. Marks, H. 1990. Genetics of growth and meat production in other Galliforms. Pages 677-690 in *Poultry Breeding and Genetics*. R. D. Crawford, ed. Elsevier, Amsterdam, the Netherlands.
29. Matos, C.A., D.L. Thoma, D. Gianola, R.J. Tempelman, L.D. Young. 1997. Genetic analysis of discrete traits in sheep using linear and nonlinear models: I. Estimation of genetic parameters. *Journal of Animal Science*, 75: 76-87.
30. Mrode, R. 2005. Thompson R, Linear models for the prediction of animal breeding values, 2nd edn. CABI, USA, 193-207.
31. Mielenz, N., R.N. Ronny and L. Schuler. 2006. Estimation of additive and non-additive genetic variances of body weight, egg weight and egg production for quails *Coturnix coturnix japonica* with an animal model analysis. *Archive Tierzucht Dummerstorf*, 49: 300-307.
32. Mignon-Grasteau, S., M. Piles, L. Varona, H. De Rochambeau, J.P. Poivey, A. Blasco and C. Beaumont. 2000. Genetic analysis of growth curve parameters for male and female chickens resulting from selection on shape of curve. *Journal of Animal Science*, 78: 2515-2524.
33. Momoh, O.M., D. Gambo and N.I. Dim. 2014. Genetic parameters of growth, body, and egg traits in Japanese quails (*Coturnix coturnix japonica*) reared in southern guinea savannah of Nigeria. *Journal of Applied Biosciences*, 79: 6947-6954.
34. Narinc, D., T. Aksoy, E. Karaman and M.Z. Firat. 2014. Genetic parameter estimates of growth curve and reproduction traits in Japanese quail. *Poultry Science*, 93: 24-30.
35. Narinc, D., T. Aksoy and E. Karaman. 2010. Genetic parameters of growth curve parameters and weekly body weights in Japanese quail. *Journal of Animal Veterinary advances*, 9: 501-507.
36. Narinc, D. and B.A. GENC. 2021. Genetic estimates of fear, growth and carcass characteristics in Japanese quail. *Turkish Journal of Veterinary and Animal Science*, 45: 272-280.
37. National Research Council. 1994. Nutrient requirement of poultry. 9th Ed., National Academy Press, Washington DC. USA.
38. Nestor, K.E., J.W. Anderson and R.A. Patterson. 2000. Genetics of growth and reproduction in the turkey. 14. Changes in genetic parameters over thirty generations of selection for increased body weight. *Poultry Science*, 79: 445-452.
39. Nestor, K.E., W.L. Bacon, N.B. Anthony and D.O. Noble. 1996. Divergent selection for body weight and yolk precursor in *Coturnix coturnix japonica*. II. Correlated responses over thirty generations. *Poultry Science*, 75: 472-477.
40. Okenyi, N., H.M. Ndofor-Foleng, C.C. Ogbu and C.I. Agu. 2013. Genetic parameters and consequences of selection for short-term egg production traits in Japanese quail in a tropical environment. *African Journal of Biotechnology*, 12: 1357-1362.
41. Özsoy, A.N. and S. Aktan. 2011. Estimation of genetic parameters for body weight and egg weight traits in Japanese quails. *Trends in Animal and Veterinary Sciences*, 2: 17-20.
42. Ozsoy, A.N. 2019a. Egg and chick quality characteristics of meat type Japanese quail (*Coturnix coturnix japonica*) line by canonical correlation analysis. *Fresenius Environmental Bulletin*, 28(4): 2582-2588.
43. Ozsoy, A.N. 2019b. The genetic parameters of weight gain and feed efficiency of Japanese quails (*Coturnix coturnix japonica*) under *Tenebrio molitor* L and control nutritional environments. *Fresenius Environmental Bulletin*, 28(3): 2115-2120.
44. Ozsoy, A.N. 2019c. Genetic parameter estimations of bayesian hierarchical linear and nonlinear growth curves in Japanese quails. *Fresenius Environmental Bulletin*, 28(9): 6883-6889.
45. Rezvannejad, E., A. Boustan and S. Lotfi. 2015. Comparison of reproductive performance of two pure lines of Japanese quail and their reciprocal crosses. *Research on Animal Production*, 8(15): 144- 148 (In Persian).
46. Rizzi, C., B. Contiero and M. Cassandro. 2013. Growth patterns of Italian local chicken populations. *Poultry Science*, 92: 2226-2235.
47. Saatci, M., I. Dewi, R. Aksoy, T. Kirmizibayrak and Z. Ulutas. 2002. Estimation of genetic parameters for weekly live weight in one to one side and dam pedigree recorded Japanese quail. 20 p. Proceedings of the 7th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production. Paris, France.
48. Saghi, R. and D.A. Saghi. 2021. Estimation of heritability, phenotypic and genetic correlations for growth curve characteristics of Japanese quail. *Journal of Animal Science Research*, (In press) (In Persian).
49. Sakunthalai, D., M. Ramesh Gupta, M. Gnana Prakash, S. Qudratullah and A. Rajasekhar Reddy. 2010. Genetic studies on growth and production traits in two strains of Japanese quail. *Tamil Nadu Journal of Veterinary and Animal Sciences*, 6(5): 223-230

50. Sargolzaei, M., H. Iwaisaki and J. Colleau. 2006. CFC: A tool for monitoring genetic diversity. In Proceedings of the 8th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production. Belo Horizonte; Minas Gerais Brazil.
51. SAS Institute Inc. 2009. SAS/STAT Users Guide, Version 9.2. SAS Institute Inc., Cary, NC.
52. Sezer, M., E. Berberoglu and Z. Ulutas. 2006. Genetic association between sexual maturity and weekly live weights in laying-type Japanese quail. South African Journal of Animal Science, 36(2): 142-148.
53. Tixier-Boichard, M., F. Leenstra, D.K. Flock, P.M. Hocking and S. Weigend. 2012. A century of poultry genetics. World's Poultry Science Journal, 68: 307-321.
54. Valente, B.D., G.J.M. Rosa, M.A. Silva, R.B. Teixeira and R.A. Torres. 2011. Searching for phenotypic causal networks involving complex traits: an application to European quail Genet. Selection Evolution, 43: 37-48.
55. Vali, V., M.A. Edriss and H.R. Rahmani. 2005. Genetic parameters of body and some carcass traits in two quail strains. International Journal of Poultry Science, 5: 296-300.

Estimation Genetic Parameters of Growth Curve and Reproductive Traits in Japanese Quail

Razieh Saghi¹ and Davoud Ali Saghi²

1- Ph.D. Student of Genetics and Animal Breeding, University of Zabol,
(Corresponding Author: saghi9099@yahoo.com)

2- Department of Animal Science, Khorasan Razavi Agricultural and Natural Resources Research and Education Center, AREEO, Iran

Received: May 31, 2021

Accepted: August 10, 2021

Abstract

Growth and reproductive traits are well-known characteristics of living organisms because of their direct relationship with economic benefits. Genetic description of the growth curve and the correlation of its parameters with growth and reproductive traits can be useful in determining selection strategies. For this purpose, 2035 quail data, which were collected during the years 1398-1396 in the Agricultural Research and Training Center and Natural Resources of Khorasan Razavi, were used. To identify the fixed factors affecting the traits, the linear model of GLM procedure of SAS software was used and to estimate the parameters of the growth curve, the nonlinear regression model of Gompertz was used. Genetic components variance (co) of growth curve and reproduction traits was estimated using maximum likelihood multi-trait analysis by DMU software. Heritability of body weight at 35 days (BW_{35}), asymptotic weight (a), maturity rate (k), age at inflection point (IPT), absolute growth rate (AGR), relative growth rate (RGR), number of eggs (EN) and fertility percentage (FR) were estimated respectively 0.222, 0.238, 0.416, 0.283, 168 to be 0.22, 0.222, 0.283 and 0.071. Growth curve parameters with AGR and RGR and BW_{35} days had high genetic correlations (0.434 - 0.924). The strongest correlation was obtained between IPT and RGR (0.924). Except for genetic correlations between EN and FR percentage with other traits, most of the genetic correlations were positive. Based on this results, management of environmental factors are effective in increasing growth and reproductive performance, and genetic selection for growth trait using growth curve parameters can improve the genetic potential of the animals.

Keywords: Body weight, Genetic correlation, Quail, Relative growth, Reproductive traits